

PARTIE 1	
Introduction :	
Contexte/Problématique/Annonce du plan	/0,5
Plan apparent adapté	/0,5
Titres cohérents et fonctionnels	/0,5
Conclusion : Réponse à la problématique	/0,5
Diagramme synthétique	/1
CONNAISSANCES :	
ADN	
Gène	
Polypeptide/protéine	
Transcription	
ARNm	/4
Maturation/Epissage alternatif	
Traduction	
Code génétique/codon	
SCHEMAS :	
Transcription	
Epissage alternatif	/3
Traduction	
	/10
PARTIE 2.1 QCM	
1b	/1
2a	/1
3c	/1
PARTIE 2.2 EXERCICE	
INTRODUCTION/OBJECTIF	/0.5
DOCUMENT 1	
- Présentation	/0.25
- observation : codon normal et muté pour chaque allèle	/0,75
- utilisation du code génétique et traduction des codons modifiés	/1
- conclusion : substitution acides aminés et apparition codon stop	/0,5
DOCUMENT 2 :	
- présentation	/0.25
- observations : conséquences des différentes mutations	/0,75
DOCUMENT 3 :	
- présentation	/0.25
- observations modifications partie externe molécule pour M1 et S et disparition du site actif pour N1	/0,75
- conclusion	/0,5
MISE EN RELATION :	
M1 : valine 237 => pas de conséquences	
S : valine 237 et valine 288 => destruction de l'enzyme	
N1 : codon 184 = stop => traduction interrompue et enzyme incomplète non fonctionnelle.	/1,5
	/7
	/10

PARTIE 1	
Introduction :	
Contexte/Problématique/Annonce du plan	/0,5
Plan apparent adapté	/0,5
Titres cohérents et fonctionnels	/0,5
Conclusion : Réponse à la problématique	/0,5
Diagramme synthétique	/1
CONNAISSANCES :	
ADN	
Gène	
Polypeptide/protéine	
Transcription	
ARNm	/4
Maturation/Epissage alternatif	
Traduction	
Code génétique/codon	
SCHEMAS :	
Transcription	
Epissage alternatif	/3
Traduction	
	/10
PARTIE 2.1 QCM	
1b	/1
2a	/1
3c	/1
PARTIE 2.2 EXERCICE	
INTRODUCTION/OBJECTIF	/0.5
DOCUMENT 1	
- Présentation	/0.25
- observation : codon normal et muté pour chaque allèle	/0,75
- utilisation du code génétique et traduction des codons modifiés	/1
- conclusion : substitution acides aminés et apparition codon stop	/0,5
DOCUMENT 2 :	
- présentation	/0.25
- observations : conséquences des différentes mutations	/0,75
DOCUMENT 3 :	
- présentation	/0.25
- observations modifications partie externe molécule pour M1 et S et disparition du site actif pour N1	/0,75
- conclusion	/0,5
MISE EN RELATION :	
M1 : valine 237 => pas de conséquences	
S : valine 237 et valine 288 => destruction de l'enzyme	
N1 : codon 184 = stop => traduction interrompue et enzyme incomplète non fonctionnelle.	/1,5
	/7
	/10

